

Identificação in silico de genes específicos em raízes de feijão fradinho

Fernando Celso Alcaire Côrtes Filho¹, Carlos Henrique S. G. Meneses², Jean Luiz Simões de Araújo³, Marcia Soares Vidal³

¹ Graduando em Agronomia, UFRRJ, <u>fernandoalcaire@yahoo.com.br</u>

² Doutorando em Biotecnologia Vegetal, UFRJ, <u>chmeneses@gmail.com</u>

As raízes das plantas contêm regiões específicas muito importantes para o desenvolvimento vegetal, sendo responsáveis pela assimilação de nutrientes, pela interação com os microrganismos presentes no solo e pela secreção de compostos relacionados à defesa da planta contra inúmeros organismos. Estudos in silico permitem agilizar a prospecção de novos genes, pois dispensam experimentos in vivo e in vitro em fase inicial. O objetivo deste trabalho foi identificar genes expressos exclusivamente em raízes de feijão fradinho (Vigna unquiculata). Para tal, foi realizado um processo de mineração no UniGene de V. unguiculata, utilizando a plataforma DDD (Digital Differential Display). Inicialmente, 34 sequências foram selecionadas em raízes de V. unquiculata e foram comparadas com sequências do Banco de Dados de soja, utilizando o programa BLASTn, com o objetivo de encontrar seus possíveis ortólogos. Estes foram então analisados pela plataforma Genevestigator, o que permitiu avaliar o padrão de expressão a partir de centenas de experimentos de microarranjo já existentes. Apenas cinco sequências que apresentaram elevada expressão em raiz foram selecionadas para alinhamento entre as sequências de V. unguiculata e soja, realizadas com o programa ClustalW, para o posterior desenho de iniciadores específicos para as regiões conservadas. Estes serão validados em feijão comum, com o objetivo de caracterizar e isolar promotores tecido-específicos, subsidiando os programas de melhoramento genético vegetal.

Palavras-chave: Vigna unquiculata; mineração de genes; expressão gênica; sistema radicular

Linha de Pesquisa: Fixação Biológica de Nitrogênio

Categoria: Iniciação Científica

³ Pesquisador Embrapa Agrobiologia, <u>marcia@cnpab.embrapa.br</u>, <u>jean@cnpab.embrapa.br</u>