



Avaliação da diversidade genética de bactérias diazotróficas associadas à cana-de-açúcar

Cecília Souza Antônio¹, Jean Luís Simões Araújo², Veronica Massena Reis²

¹ Bolsista CAPES, Mestrando em Ciência do Solo, UFRRJ, ceciliamat2004@yahoo.com.br

² Pesquisador Embrapa Agrobiologia, jean@cnpab.embrapa.br, veronica@cnpab.embrapa.br

O objetivo deste trabalho foi avaliar a diversidade genética de bactérias diazotróficas associadas à cana-de-açúcar (*Saccharum sp*) cultivada em Alagoas. Utilizou-se, para o isolamento, os meios de culturas semi-sólido semi-seletivos JNFb, LGI, LGI-P caldo e JMV. A caracterização dos isolados foi realizada através da observação da morfologia de colônia, em meio sólido batata e da morfológica celular, como o auxílio do microscópio ótica. O sequenciamento do gene 16S rDNA ocorreu em 23 isolados. A diversidade da comunidade bacteriana diazotrófica endofítica presente em seis variedades de cana-de-açúcar foi observada em 12 grupos, formados a partir da origem da bactéria, considerando o tipo de variedade de cana-de-açúcar e o tipo de amostra (parte aérea e raiz). Observou-se que a variedade RB 72454 possui o maior número de espécies: oito (35%), dentre as 10 detectadas. Das 23 sequenciadas, 69% das bactérias foram isoladas de raiz. *Burkholderia cenocepacia* e *Gluconacetobacter diazotrophicus* foram as espécies dominantes. Contudo, a *Gluconacetobacter diazotrophicus* foi a que obteve maior frequência (37,31%) e constância (91,66%), entre os grupos examinados.

Palavras-chave: isolamento; caracterização; 16s rDNA

Linha de Pesquisa: Fixação Biológica de Nitrogênio

Categoria: Mestrado